www.pharbiois.com



RENIECYT-CONAHCYT: 2000001

Diplomado en Docking y Dinámica Molecular

Constancia con validez oficial/curricular de la red CONOCER-SEP



Profesor: Varios Profesores (ver módulo)

Duración del diplomado: 150 horas, de marzo-agosto 2025 (6 meses)

Inicia: 30 de julio del 2025

100% online mediante plataformas <u>www.google clasroom</u> y/o https://pharbiois.milaulas.com/

Pharbiois.com

Pharbiois

Science for life

ACERCA DEL DIPLOMADO

En este diplomado el alumno aprenderá conceptos de estructura de proteínas de 1D-4D, el alumnos manejara conceptos de interacciones ligando-proteína no covalentes, aprenderá a realizar estudios de acoplamiento molecular así como estudios de dinámica molecular de proteínas con ligando, en un entorno de membrana, etc. Es un diplomado de bioinformática estructural teórico-práctico desarrollado de la mano de un profesor-investigador experto con publicaciones científicas Internacionales.

TEMARIO

Módulo 1

Curso de Visualización y Modelado de Proteínas

(Dr Lenin Domínguez Ramírez, SNI-2)

Presentación

- I Las ventajas de usar UCSF Chimera para el análisis de estructuras obtenidas por difracción de rayos X
- II. UCSF Chimera (1.16)
- 1. ¿Qué es UCSF Chimera?
- 2. ¿Cómo funciona?
- 3. ¿Con qué estructuras funciona?

www.pharbiois.com



- III. Ventanas básicas
- Ventana principal
- Ventana de modelos
- 3. Ventana lateral
- 4. Generalidades de otras ventanas
- IV. Uso del ratón
- 1. Tipo de interacciones con el ratón
- 2. Como modificar la interacción usando el ratón
- 3. Limitaciones
- Visualización básica e interacción.
- 1. Listones, hélices, láminas.
- 2. Estructura secundaria por colores
- 3. Átomos, esferas, esferas con escala y más
- VI. Visualizaciones predefinidas.
- 1. Estructura secundaria
- 2. Todos los átomos.
- 3. Superficie hidrofóbica.
- 4. Siluetas, color de fondo, niebla y más.
- 5. Archivado de imagen.
- 6. Archivado de representación.
- VII. Etiquetas y colores.
- 1. Selecciones de átomos, residuo, y molécula.
- 2. Etiquetar y configuración de la etiqueta.
- 3. Colores de la selección.
- VIII. Distancias, puentes de hidrógeno y contactos
- 1. Selección de átomos o centroides.
- 2. Selección de átomos, inter-molécula o intramolecular.
- 3. Selección he interpretación.
- 4. Archivado.

www.pharbiois.com



- IX. Ángulos, rotameros y choques.
- 1. Selección de átomos.
- 2. Selección y modificación.
- 3. Selección de átomos e interpretación.
- X. Superficies y atributos.
- 1. Cálculo de superficies
- 2. Representación de superficies
- 3. Mapeo de propiedades a la superficie.
- XI. Superposición de estructuras y secuencias.
- 1. Superposición de monomeros
- 2. Superposición de multímeros
- 3. Superposición de secuencias
- XII. Análisis de estructuras, ligandos y heteroátomos.
- 1. Aplicando los principios aprendidos.
- XIII. Preparación y reparación de estructuras para docking.
- 1. Remoción del solvente.
- 2. Remoción de iones.
- 3. Reemplazo de cadenas laterales.
- 4. Adición de hidrógenos.
- 5. Adición de cargas
- XIV. Visualización de resultados de docking (autodock, vina o ADFR)
- 1. Autodock Vina
- 2. ViewDock
- XV. Archivado de resultados.
- 1. Salvado de sesiones.

Módulo 2

Docking Proteína-Ligando con Autodock

www.pharbiois.com



(Dr José Correa Basurto, SNI-3)

- Presentación (examen diagnóstico)
- Grupos-funcionales-conformación-configuración
- Propiedades fisicoquímicas
- Propiedades ADMET
- Interacciones-no-covalentes
- Scoring-Sampling-Function (exploración y cálculo de energía)
- Preparación-Ligandos-docking
- Obtención-blanco-para-docking
- Instalación-Autodock-ADT-preparación-archivos
- Continuación-preparación-archivos para docking
- Análisis de resultados de docking
- Continuación-análisis-docking-validación
- Validación-docking
- Validación-docking-final

Módulo 3

Docking Proteína-proteína

(M en C Alberto Domínguez Guillen)

I.- Fundamentos de la Interacción Proteína-Proteína

- Introducción al docking proteína-proteína
- Niveles estructurales de las proteínas: primaria, secundaria, terciaria y cuaternaria
- Importancia del docking en la biología estructural y el diseño de fármacos

II.-Metodologías de Docking Proteína-Proteína

www.pharbiois.com



- Clasificación de las estrategias de docking
 - Docking ciego
 - o Docking dirigido
 - o Docking flexible
- Criterios para seleccionar el método adecuado en predicciones de docking

III.- Técnicas y Herramientas para el Docking

Proteína-Proteína

- Principales enfoques computacionales
- Introducción a servidores de docking:
 - o HDOCK
 - o ClusPro
 - o FRODOCK 2.0
 - SwarmDock
 - o HADDOCK
 - PatchDock
 - SymmDock

IV.- Estudio de docking usando ClusPro

- Estudio de docking proteína-proteína usando ClusProt
- Selección de proteínas
- Entrar al servidor y hacer simulación

V.- Evaluación y Análisis de Resultados

- Evaluación y selección de modelos predichos
- Análisis de la interfaz de interacción entre cadenas proteicas
- Interpretación estructural y validación de predicciones

Módulo 4

www.pharbiois.com



Dinámica Molecular de Proteínas en Medio

Acuoso

(Dr José Correa Basurto, SNI-3)

- Presentación.
- Estructura de proteínas.
- Aplicación de dinámica molecular (DM) en el área farmaceútica.
- Aplicación de DM en el área biotecnológica.
- Generalidades sobre Campos de Fuerza (force fields).
- Conceptos, (RMSD, RMSF, Rg, superficies accesibles a solvente, cambios conformacionales).
- Ejercicios de visualización con VMD.
- Archivos requeridos para una DM.
- Preparación de archivos para correr DM.
- Minimización de estructura para DM.
- Simulación de DM en NAMD.
- Continuación de simulación de DM en NAMD.
- Análisis de resultados por VMD.
- Análisis de resultados por CARMA.
- Continuación de análisis de resultados por CARMA.
- Actividad final: realizar ejercicio de dinámica molecular usando proteína de su interés

Módulo 5

DINÁMICA MOLECULAR PROTEÍNA-LIGANDO

www.pharbiois.com



(Dr Jorge Luis Rosas Trigueros, SNII-1)

Presentación del módulo y examen diagnóstico

Unidad I: Conceptos básicos sobre proteínas y membranas (3 horas)

- 1. Biomoleculas
 - 1. Importancia de las membranas como biomoléculas
 - 2. Importancia de las proteínas como biomoléculas
 - 3. Propiedades y clasificación de los aminoácidos
 - 4. Niveles estructurales de las proteínas
 - 5. Relación estructura y función en las proteínas
- 2. Métodos de determinación estructural de proteínas
 - 1. Métodos de determinación estructural
 - Cristalografía de rayos X
 - Resonancia magnética nuclear
 - Cryo-electro microscopía.
 - Instalación de VMD, NAMD y CARMA (asincrónico)

Unidad II: Dinámicas Moleculares de proteínas transmembranales (6 horas)

- 1. Aplicación de la dinámica molecular para el estudio de biomoléculas
- 2. Conceptos sobre dinámicas moleculares
 - o Definición de dinámica molecular
 - Descripción general de la metodología
 - Campo de fuerza y parámetros
 - Algoritmos
 - Condiciones periódicas
 - Controles de temperatura y presión

www.pharbiois.com



Unidad III: Introducción a los programas de dinámica molecular

- 1. NAMD
- 2. Amber
- 3. Gromacs
- 1. NAMD como paquete de dinámica molecular
 - 1. Generalidades sobre NAMD
 - 2. Generación del sistema de simulación
 - Análisis de la estructura inicial
 - Neutralización de la carga del sistema
 - Solvatación del sistema de simulación
 - Establecimiento de la rutina de simulación
 - Descripción de las fases de un algoritmo de simulación
 - Generación de archivos de entrada (inputs) para la simulación
 - Correr simulación de DM con NAMD en sus computadoras (continuar asincrónico)

Unidad IV: Análisis de las dinámicas moleculares (6 horas)

- 1. Análisis de simulaciones con Carma
- 2. Introducción a Carma
 - Descripción de un archivo de entrada
 - Cálculo y análisis de Desviación cuadrática media(RMSD)
 - o Cálculo y análisis de Radio de giro (RG)
 - o Cálculo y análisis de Fluctuación cuadrática media (RMSF)
 - o Agrupamiento de estructuras
 - o Cálculo y análisis de componentes principales (PCA)
 - o Análisis de la estructura y dinámica de la membrana

www.pharbiois.com

Pharbiois

Science for life

Módulo 6

DINÁMICA MOLECULAR PROTEÍNA-MEMBRANA

(Dr Jorge Luis Rosas Trigueros, SNII-1)

Presentación del módulo y examen diagnóstico

Unidad I: Conceptos básicos sobre proteínas (3 horas)

- 1. Proteínas
 - Las proteínas
 - Importancia de las proteínas como biomoléculas
 - Propiedades y clasificación de los aminoácidos
 - Niveles estructurales de las proteínas
 - o Relación estructura y función en las proteínas

Unidad II: Dinámicas Moleculares proteínas-ligando (6 horas)

- 1. Aplicación de la dinámica molecular para el estudio de biomoléculas
- 2. Conceptos sobre dinámicas moleculares
 - Definición de dinámica molecular
 - o Descripción general de la metodología
 - o Campo de fuerza y parámetros
 - o Algoritmos
 - o Condiciones periódicas
 - Controles de temperatura y presión
- 3. Introdución al programa NAMD (NAMD como paquete de dinámica molecular)
 - o Generalidades sobre NAMD
 - Generación del sistema de simulación

www.pharbiois.com

Pharbiois

Science for life

- Análisis de la estructura inicial
- Neutralización de la carga del sistema
- Solvatación del sistema de simulación
- Establecimiento de la rutina de simulación
- Descripción de las fases de un algoritmo de simulación
- o Generación de archivos de entrada (inputs) para la simulación
- Hacer ejercicio para correr una dinámica corta
- 4. Proteína-Ligando.

Unidad III: Análisis de las Dinámicas moleculares (6 horas)

- 1. Análisis de simulaciones con Carma
- 2. Introducción a Carma
 - o Descripción de un archivo de entrada
 - Cálculo y análisis de Desviación cuadrática media(RMSD)
 - o Cálculo y análisis de Radio de giro (RG)
 - o Cálculo y análisis de Fluctuación cuadrática media (RMSF)
 - Agrupamiento de estructuras
 - o Cálculo y análisis de componentes principales (PCA)
 - o Cálculo de energía libre de los ligandos en Dinámica molecular
- 3. Análisis de datos de dinámica proteína-ligando con VMD

INVERSIÓN: \$ 6,499.00 MXN, aproximadamente 360 USD. Nota: 10 %: Estudiante de licenciatura, grupos > de 4 alumnos, haber tomado 2 cursos y/o diplomados en pharbiois. 5 %, estudiante de posgrado tienen, haber tomado un curso en www.pharbiois.com, grupos de 2-3 alumnos, profesores de tiempo parcial. Damos factura y constancia del diplomado. El pago también puede ser diferido por módulos, cada módulo 1,399.00 MXN, 63.00 USD. Para inscribirse en México o fuera de México puedes pagar por:

www.pharbiois.com



https://bit.ly/3qL6rgp (PayPal, Mercado Pago y stripe), en México se puede pagar por transferencia bancaria a cuenta CLABE SANTANDER: 0141-8065-5079-1315-04, a nombre de Pharmaceutical and Biotechnological Innovation Services SAS De CV. El comprobante se manda al correo: pharmaceuticalandbiotechnology@gmail.com, informes, cotizaciones tambien por ventas@pharbiois.com